



AUDINIŲ BANKAS  
**PLACENTA**  
GENETINIAI TYRIMAI



**myCancerRiskDNA**

**myCancerRiskDNA yra genetinis tyrimas, skirtas ankstyvai nustatyti individo genetinį polinkį susirgti vėžiu.**

**Rizikos susirgti vėžiu nustatymas suteikia galimybę individualizuoti paciento priežiūrą bei imtis ankstyvų prevencinių priemonių.**

### **KODĖL SVARBU ŽINOTI?**

Kai asmens genuose yra tam tikrų žalingų pakitimų, padidėja rizika gyvenimo eigoje susirgti vėžiu. Pacientui ir jo šeimos nariams naudinga žinoti riziką susirgti vėžiu, kadangi tai suteikia galimybę imtis efektyviausių prevencinių priemonių.

**myCancerRiskDNA** yra genetinis tyrimas, atliekamas vykdant viso egzomo sekoskaitą (*angl.* WES, Whole Exome Sequencing). Tyrimo metu analizuojama 40 genų, kurių pakitimai lemia paveldimas vėžio rūšis.

### **ŠIS TYRIMAS APIMA:**

- » 40 genų, lemiančių riziką susirgti paveldimomis vėžio rūšimis, analizė.
- » Išsami rezultatų ataskaita, kurioje nurodomi visi nustatyti genų pakitimai ir jų galimos pasekmė pacientui.
- » Gydytojas genetikas pateikia išsamią tyrimo rezultatų interpretaciją.

### **INDIKACIJOS GENETINIAM TYRIMUI:**

- » Pacientai, turintys šeimos vėžio istoriją ar kurių šeimos nariai susirgo vėžiu būdami jaunesni negu 50 metų.
- » Pacientai, turintys kelių rūšių navikus.
- » Pacientai, sergantys vėžiu, kuriems svarbu nustatyti ligą sukėlusias mutacijas ir optimizuoti gydymo planą.

### **TIRIAMŲ GENŲ SĄRAŠAS:**

<i>APC</i> *	<i>BRIP1</i>	<i>HOXB13</i>	<i>NBN</i>	<i>PTCH1</i>
<i>ATM</i> *	<i>CDH1</i>	<i>MITF</i>	<i>NF1</i>	<i>PTEN</i> *
<i>AXIN2</i>	<i>CDK4</i>	<i>MLH1</i> *	<i>NTHL1</i>	<i>RAD51C</i>
<i>BAP1</i>	<i>CDKN2A</i>	<i>MLH3</i>	<i>PALB2</i> *	<i>RAD51D</i>
<i>BARD1</i>	<i>CHEK2</i> *	<i>MSH2</i> *	<i>PMS2</i> *	<i>SMAD4</i>
<i>BMPR1A</i>	<i>EPCAM</i> **	<i>MSH3</i>	<i>POLD1</i>	<i>STK11</i> *
<i>BRCA1</i> *	<i>FLCN</i>	<i>MSH6</i> *	<i>POLE</i>	<i>SUFU</i>
<i>BRCA2</i> *	<i>GREM1</i> *	<i>MUTYH</i>	<i>POT1</i>	<i>TP53</i> *

\* Genų ir jų kopijų skaičiaus variacijos analizė

\*\* Specifinių delecijų/duplikacijų 3' geno dalyje analizė

